

---

# Etame l'ADN à sandale mate ! Un sens caché pour l'ADN en miroir et ses palindromes ?

Michel Cogné\*<sup>1</sup>

<sup>1</sup>université de LImoges (IUF) – CNRS : UMR7276 – France

## Résumé

Un peu plus de 50 ans après la découverte du code génétique qui décline sur la double hélice d'ADN le grand livre des "recettes" que constituent nos gènes, sa compréhension a permis le décryptage des maladies génétiques et l'essor des biotechnologies et de l'ingénierie génétique. La recherche en génétique a depuis lors percé à jour de nouveaux éléments, venus enrichir la complexité des "textes" écrits selon ce langage originel, tel le code épigénétique qui règle au sein du génome l'intensité selon laquelle chaque gène pourra ou non être lu... Mais nos "gènes codants", dont la traduction en protéines et le programme résultant permettront de synthétiser la totalité des composants de l'organisme, n'occupent cependant qu'une fraction de l'espace du génome. Ils sont dispersés au sein d'un ADN de remplissage d'allure aléatoire (ainsi parfois dénommé "junk DNA") constituant jusqu'à 98% du génome, "matière noire" en fait porteuse de fonctions régulatrices et architecturales pour nos chromosomes. Parsemant la séquence de cet étrange ADN réputé "non codant", d'autres codes restent à découvrir... et notamment de mystérieuses répétitions, symétries et palindromes.

---

\*Intervenant